

Título: NUEVAS PERSPECTIVAS EN LA RESISTENCIA A QUINOLONAS FLUORADAS EN STAPHYLOCOCCUS AUREUS. MECANISMOS DE FLUJO ACTIVO Y OTROS MECANISMOS DE RESISTENCIA A QUINOLONAS DE TERCERA GENERACION.

Nombre: GUTIERREZ ZUFIAURRE, M. NIEVES

Universidad: Universidad de Salamanca

Departamento: MEDICINA PREVENTIVA, SALUD PUBLICA Y MICROBIOLOGIA MEDICA

Fecha de lectura: 13/06/2000

Programa de doctorado: MEDICINA PREVENTIVA, SALUD PÚBLICA Y MICROBIOLOGÍA MÉDICA

Dirección:

> **Director:** JOSÉ ANGEL GARCÍA RODRÍGUEZ

> **Codirector:** JUAN LUIS MUÑOZ BELLIDO

Tribunal:

> **presidente:** JOSÉ PRIETO PRIETO

> **secretario:** FRESNADILLO MARTINEZ MARIA JOSE

> **vocal:** ANTONIO CÁNDIDO GÓMEZ GARCÍA

> **vocal:** JUAN JOSÉ PICAZO DE LA GARZA

> **vocal:** MANUEL SEGOVIA HERNÁNDEZ

Descriptores:

> CIENCIAS MEDICAS

> MICROBIOLOGIA CLINICA

> CIENCIAS CLINICAS

El fichero de tesis no ha sido incorporado al sistema.

Resumen: Las fluoroquinolonas consituyen uno de los mayores avances de los últimos años en el campo de los antimicrobianos. Se trata de antimicrobianos de muy amplio espectro, de alta actividad intrínseca, excelentes características antimicrobianas y, a pesar de algunos problemas acaecidos con alguno de ello, de fármacos muy seguros.

Uno de sus grandes inconvenientes ha sido la escasa actividad frente a microorganismos gram positivos y anaerobios. Sin ambargo, con la comercialización de las nuevas fluoroquinolonas, esta situación ha cambiado, y actualmente cobra mayor interés el incremento de resitencia frene a esta familia de antimicrobianos, y entre ellos frente a Staphylococcus aureus.

Este trabajo se ha realizado con el fin de determinar la influencia de los diferentes mecanismos de resistencia, sobre las nuevas fluoroquinolonas en relación con las antiguas, la aparición de mutaciones en los genes codificadores de las dianas principales de esta clase de antimicrobianos, y como estas influyen en la actividad de estas nuevas moléculas, así como para determinar la frecuencia con la que pueden aparecer cepas resistentes de *Staphylococcus aureus* con el empleo de estas fluoroquinolonas.

Para ello se ha empleado una serie de cepas previamente clasificadas según su resistencia a las fluoroquinolonas clásicas y su genotipo con respecto a los genes implicados en la resistencia a quinolonas realizando estudios de selección.

Posteriormente se estudió la influencia de las mutaciones originadas en la actividad de las distintas fluoroquinolonas disponibles. Finalmente se realizó un estudio para determinar si la presencia de fluoroquinolona induciría mayor frecuencia de resistencias así como la capacidad de supervivencia en condiciones normales de una cepa que ha desarrollado mecanismo de resistencia frente a una cepa sensible a estos antimicrobianos, para determinar si éstas presentan un carácter regresivo con lo que la simple rest