

**Título:** ESTUDIO DE CEPAS ORALES DE CANDIDA ALBICANS MEDIANTE PCR-RAPD. CORRELACION CON LOS ASPECTOS FENOTIPIICOS Y LA VIRULENCIA

**Nombre:** FLOREZ MENENDEZ, ÁNGELES

**Universidad:** Universidad de Santiago de Compostela

**Departamento:** Medicina

**Fecha de lectura:** 17/02/2001

**Programa de doctorado:** Bases Científicas y Clínicas de la Investigación en Medicina

**Dirección:**

> **Director:** JAIME TORIBIO PEREZ

> **Codirector:** MANUEL PEREIRO FERREIROS

**Tribunal:**

> **presidente:** ANDRÉS BEIRAS IGLESIAS

> **secretario:** MERCEDES PEREIRO FERREIROS

> **vocal:** ANGEL MARIA CARRACEDO ALVAREZ

> **vocal:** FRANCISCO VAZQUEZ LOPEZ

> **vocal:** Narciso Pérez Oliva

**Descriptor:**

> CIENCIAS MEDICAS

> MICROBIOLOGIA CLINICA

> CIENCIAS CLINICAS

**El fichero de tesis** no ha sido incorporado al sistema.

**Resumen:** En resumen, la epidemiología de las infecciones producidas por especies del género *Candida* se ha modificado a lo largo de las últimas dos décadas, fundamentalmente en relación con la pandemia del SIDA y la elevada incidencia de candidiasis recidivantes y resistentes a la terapéutica azólica en los sujetos VIH+. Dichas modificaciones han consistido tanto en un aumento en la incidencia y virulencia de las candidiasis, como en el incremento de las especies no-albicans como agentes patógenos, la identificación de la nueva especie *C. dubliniensis* y la aparición de cepas de *C. Albicans* atípicas. En efecto, algunos autores defienden actualmente la existencia de cepas de *C. albicans* atípicas desde un punto de vista fenotípico y/o genotípico y/o genotípico, y cuya capacidad para causar enfermedad es aún controvertida.

En esta línea de investigación nos hemos planteado el presente trabajo con dos grupos de 40 y 20 cepas orales de *C.albicans*, obtenidas respectivamente de pacientes VIH+ y de individuos control VIH-. En ambos grupos se pretende detectar la presencia de cepas de *C.albicans* atípicas tanto desde una perspectiva fenotípica como genotípica, así como estudiar su potencial virulento. Para el análisis fenotípico de las cepas se estudió en cada una de ellas su morfología microscópica y patrón de asimilación de sustratos. Posteriormente se procedió al análisis y clasificación genotípica de las muestra mediante PCR-RAPD con el cebador 5'-ACAACCTGTC-3'. Para ello se puso a punto el método determinando las condiciones óptimas para su realización en función de la modificación de dos variables ambientales: concentración de ADN y concentración de MgCl<sub>2</sub>. Finalmente, se estudió la virulencia de las cepas de la muestra realizando un cálculo de adherencia a células de epitelio de mucosa oral mediante técnicas radiométricas.

En cuanto a los resultados obtenidos, todas las cepas eran productoras de clamidosporos en mucílago de arr